**Название статьи:**

Генетическая идентификация антагонистически активных штаммов лактобацилл, выделенных из полости рта здоровых людей

**Авторы:**

Ботина С.Г., Червинец Ю.В., Климина К.М., Коробан Н.В.

**Место работы:**

Государственное бюджетное образовательное учреждение высшего профессионального образования «Тверская государственная медицинская академия» Министерства здравоохранения и социального развития Российской Федерации

State Budjet Institution of High Professional Education “Tver State Medical Academy” of RF Department of Health and Social Development

**Место публикации статьи**

Клиническая лабораторная диагностика, 2010, №11, с. 43-46

**Ключевые слова**:

лактобациллы, полость рта, антагонистическая активность, генетическая и биохимическая идентификация

**Keywords:**

lactobacilli, oral cavity, antagonistic activity, genetic and biochemical identification

**Резюме.**

При исследованиизубного налета 45 здоровых людей выделено 3 штамма лактобацилл, проявляющих высокий антагонизм к тестовым культурам. С помощью тест-систем api 50 CH “bio Mérieux” штаммы идентифицированы какLactobacillus fermentum 39, Lactobacillus rhamnosus 24 и Lactobacillus paracasei 50. Результаты анализа последовательностей генов 16S рРНК исследуемых штаммов подтвердили данную идентификацию, за исключением последнего штамма. Используя биоинформатический анализ нуклеотидной последовательности гена 16S рРНК, был определен таксономический статус третьего штамма - L. rhamnosus50.

**Abstract.**

From the plaque of 45 healthy persons it was selected 3 strains of lactobacilli that exhibit high antagonism to the test cultures. Strains were identified as Lactobacillus fermentum 39, Lactobacillus rhamnosus 24 and Lactobacillus paracasei 50 with the help of test systems api 50 CH "bio Mérieux". The results of sequence analysis of 16S rRNA genes confirmed this identification, except for the last strain. Taxonomic status of the third strain was identified as L. rhamnosus 50 using a bioinformatics analysis of the nucleotide sequence of 16S rRNA gene.